

# مروری بر بیماری رتینوبلاستوما

## • دکتر داریوش فرهود



متخصص ژنتیک، کلینیک ژنتیک، دانشکده بهداشت، دانشگاه علوم پزشکی تهران، گروه علوم پایه / اخلاق، فرهنگستان علوم پزشکی ایران، تهران، ایران

## • هانیه پورکلهر



کارشناسی ارشد ژنتیک، کلینیک ژنتیک

## □ چکیده

رتینوبلاستوما نوعی نادر از سرطان چشم است که معمولاً در اوایل کودکی، به طور معمول قبل از سن ۵ سالگی بروز می‌کند. این نوع سرطان در شبکیه ایجاد می‌شود، یعنی همان بافت حساس به نور در پشت چشم که نور و رنگ را تشخیص می‌دهد. این بیماری شایع‌ترین نوع سرطان چشم در کودکان است.

یک سوم کل رتینوبلاستوماها ارثی هستند، به این معنی که جهش‌های ژن RB1 در تمام سلول‌های بدن از جمله سلول‌های تولید مثل (اسپرم یا تخمک) وجود دارد. مبتلایان به رتینوبلاستوما ارثی ممکن است سابقه خانوادگی این بیماری را داشته باشند و در معرض خطر انتقال ژن جهش یافته RB1 به نسل بعدی باشند. دو سوم دیگر رتینوبلاستوما غیر ارثی است، بدین معنی که جهش‌های ژن RB1 فقط در سلول‌های چشم وجود دارد و قابل انتقال به نسل بعدی نیست.

تبدیل شدن یک پروتو-آنکوژن به یک آنکوژن، ممکن است به وسیله تغییر در پروتو-آنکوژن ایجاد گردد. این مسئله به دلیل آرایش مجدد ژن‌ها در کروموزوم، ایجاد شده و موجب می‌شود تا پروتو-آنکوژن به یک مکان جدید انتقال یابد.

این رویداد همچنین به دلیل افزایش در تعداد کپی‌های به دست آمده از پروتو-آنکوژن نرمال، نیز ایجاد می‌شود. برخی اوقات یک ویروس وارد DNA می‌شود و با ورود به

پروتو-آنکوژن، یا نزدیک شدن به آن، موجب تبدیل شدن آن به آنکوژن می‌گردد.

حاصل هر یک از این رویدادها، تغییر در شکل ژن و عامل سرطانی شدن است.

رتینوبلاستوما سرطانی نادر می‌باشد که به صورت پیشرونده و سریع سلول‌های نارس شبکیه چشم را درگیر می‌کند. بیشتر مبتلایان، کودکان (معمولاً زیر ۵ سال) می‌باشند. از هر ۱۵۰۰۰ تا ۲۰۰۰۰ کودک، یک نفر به رتینوبلاستوما مبتلا می‌شود. ولی شیوع این بیماری در بزرگسالان بسیار نادر است. منوط به این که در چه مرحله زمانی و چه قسمتی از ژن؛ جهش رخ داده باشد، بیماری به دو شکل ارثی (Congenital-Hereditary) و غیر ارثی (Non-Hereditary) وجود خواهد داشت. در ۷۵ درصد از مواقع این بیماری در یک چشم (Unilateral) و ۲۵ درصد از مواقع در دو چشم (Bilateral) بروز می‌کند که نوع دو طرفه آن بیشتر سابقه ارثی دارد.

کلمات کلیدی: پروتو-آنکوژن، آنکوژن، رتینوبلاستوما، سرطانی

## □ مقدمه

همزمان با رشد جنین در رحم، چشم‌ها شروع به تشکیل شدن می‌کنند. در مراحل اولیه رشد در چشم سلول‌هایی به نام Retinoblast وجود دارند که با تقسیم‌های خود، شبکیه را تشکیل می‌دهند.

در مرحله‌ای معین این سلول‌ها دیگر تکثیر نمی‌شوند و به

سلول‌های بالغ شبکه‌ی تمایز می‌یابند، به ندرت نقصی در این فرآیند پیدا می‌شود که باعث بروز بیماری گردد. تاکنون سه دلیل ژنتیکی مختلف برای رتینوبلاستوما شناخته شده است:

#### ۱- جهش ژن‌های Rb1:

Rb ژنی است که یک پروتئین کلیدی را در نقطه محدود کننده G1 چرخه سلولی کد می‌کند و پیشروی چرخه سلول را تا فرا رسیدن یک محرک میتوزنیک مسدود می‌کند. یک آنزیم کینازی که با گیرنده‌های فاکتور رشد فعال می‌شود، پروتئین Rb را فسفریله می‌کند و باعث آزاد شدن فاکتور رونویسی E2F می‌شود که این فاکتور هم در مرحله بعد ژن‌هایی که برای رونویسی DNA ضروری هستند را فعال می‌کند. ژن‌های Rb1 روی کروموزوم‌های ۱۳ قرار دارند.

#### ۲- فعال شدن انکوژن:

انکوژن‌ها که از تغییر پروتوانکوژن‌ها به وجود می‌آیند، منجر به رشد سلولی کنترل نشده می‌گردند که به صورت باقوه، مستعد سرطانی شدن می‌باشند.

#### ۳- حذف بخشی از کروموزوم ۱۳:

با حذف بخشی از کروموزوم ۱۳ که حاوی ژن Rb1 است اتفاق می‌افتد و به دلیل حذف ژن‌های دیگر موجود در این بخش نشانه‌هایی همچون برجستگی کره چشم، ناهنجاری‌های گوش و کوتاه بینی هم دیده می‌شود. بیشتر انکوژن‌ها، از تغییرات قابل توجه در سلول ایجاد می‌شوند. زیرا یک کپی منفرد از این ژن، برای بیان صفت رشد، کافی است. علت این مسئله، این است که سلول‌ها با تغییر، پروتئین‌هایی ایجاد می‌کنند که دارای عملکرد جدیدی هستند که در سلول‌های با ژن طبیعی، وجود ندارد (۱). اگر ماشین شما دارای دو پدال گاز باشد و یکی از آن‌ها به کف ماشین گیر کرده باشد، ماشین با حداکثر سرعت خود حرکت می‌کند، حتی اگر پدال دوم، آزاد باشد. به طور مشابه، یک کپی از یک انکوژن کافی است تا موجب تغییر در رشد سلول شود. حضور یک انکوژن در سلول جرم لاین (germ line cell) از زمینه‌های ارثی برای تومور در

فرزندان، ایجاد می‌کند. با وجود این، یک انکوژن منفرد معمولاً برای ایجاد سرطان کافی نیست بنابراین، توارث انکوژن ضرورتاً منجر به سرطان نمی‌شود (۱ و ۲).

#### □ ژن‌های متوقف کننده تومور

پروتئین‌های ایجاد شده به وسیله ژن‌های متوقف کننده تومور، به طور طبیعی از رشد سلول و از تشکیل تومور نیز جلوگیری می‌کنند. تغییرات ایجاد شده در این ژن‌ها، در سلول‌هایی ایجاد می‌شود که دیگر سیستم بازدارنده رشد سلولی و تقسیم سلولی ندارند. محصولات ایجاد شده از ژن‌های متوقف کننده تومور، ممکن است در غشاء سلول، در سیتوپلاسم یا در هسته عمل کنند. تغییرات ایجاد شده در این ژن‌ها منجر به کاهش عملکرد آن‌ها می‌شود. بنابراین، آن‌ها معمولاً نهفته هستند. این بدین معناست که این ویژگی، وجود ندارد، مگر آن که هر دو کپی از ژن‌های نرمال تغییر کرده باشند (۲).

در برخی موارد، اولین تغییر در سلول مولد (تخمک یا اسپرم) وجود دارد؛ بنابراین، تمام سلول‌ها در یک فرد ذاتاً با این مورد مواجه هستند. به دلیل این که تغییر نهفته است، این ویژگی وجود نخواهد داشت. بعدها، یک تغییر در کپی دوم یک سلول سوماتیک ایجاد می‌شود. در آن سلول، هر دو کپی از ژن‌ها، تغییر می‌کند و سلول رشد غیر کنترل شده دارد. یک مثال از این مسئله، رتینوبلاستوما توارثی است. این بیماری، یک سرطان جدی در شبکه چشم است که در اوایل کودکی، بروز می‌کند. وقتی یکی از والدین، حامل یک تغییر در یکی از کپی‌های ژن متوقف کننده تومور Rb باشد، این تغییر به احتمال ۵۰٪ به فرزند منتقل می‌شود. حدود ۹۰٪ از فرزندان که یک ژن Rb تغییر شکل یافته از والدین، دریافت می‌کنند، به مشکل تغییر در کپی دوم Rb مبتلا می‌شوند. این مسئله معمولاً در اوایل زندگی آن‌ها رخ می‌دهد. این افراد سپس به رتینوبلاستوما مبتلا می‌شوند. تمام رتینوبلاستوماها، ارثی نیستند (۳).

این بیماری ممکن است به وسیله تغییر در دو کپی Rb رخ دهد. زیرا، افراد مبتلا به رتینوبلاستوما، دارای مشکل تقسیم سلولی سریع هستند و این مشکل موجب می‌شود تا هزاران تقسیم سلولی برای آن‌ها ایجاد شود. شیوع یک تغییر



به ارث رسیده و ژن دیگر دچار جهش پیکری می‌شود. حالت تک گیر که در حدود ۶۰٪ ژن‌های سالم به ارث رسیده سالم بوده و هر دو آلل یک سلول دچار جهش می‌گردند.

### □ معرفی ژن Rb

دومین کلاس از ژن‌هایی که در تومورها جهش می‌یابند ژن‌های مهار کننده تومور یا Tumor suppressor می‌باشند. فعالیت این ژن‌ها (۴ و ۶) شامل:

- مهار یا محدود کردن تقسیم سلولی نامناسب
- حفظ یکپارچگی ژنوم
- محکوم به مرگ کردن سلول‌های معیوب اصلاح ناپذیر از طریق آپوپتوزیس

### □ فرضیه دو ضربه نادسون

کار نادسون بر رتینوبلاستوما در سال ۱۹۷۱ واقعه‌ای بود که اولین ادراک را از ژن‌های مهار کننده تومور به وجود آورد. در واقع محصولات این ژن‌ها کار کنترل بر چرخه و تقسیم سلولی را بر عهده دارند و جلوی تکثیر بی رویه سلول را می‌گیرند (۵).

تومورسپرسور ژن‌ها در صورت نداشتن هر دو نسخه سبب بروز سرطان می‌شوند. حذف یک نسخه حالت نهفته دارد و از دست رفتن نسخه دوم سبب بروز بیماری می‌شود که به این حالت از دست رفتن هتروزیگوسیتی (LOH) می‌گویند (۵ و ۶).

### □ بحث

#### پروتئین Rb

این پروتئین در فازهای G0 و G1 در حالت غیرفسفریله است و Rb غیر فسفریله به فاکتور نسخه برداری E2F متصل شده و فعالیت آن را متوقف می‌کند. با فسفریله شدن Rb به وسیله G1 و G1/S-Cdks، پروتئین Rb تغییر کنفورماسیون داده و E2F آزاد می‌شود. Rb غیر فسفریله شکل فعال Rb است و باعث مهار و متوقف شدن E2F می‌شود. شکل فسفریله Rb شکل غیر فعال آن است که عمل E2F را متوقف نمی‌کند (۴ و ۵).

برای ایجاد رتینوبلاستوما نیاز به جهش در هر دو آلل ژن Rb می‌باشد که در دو حالت دیده می‌شود:

حالت شایع که در حدود ۴۰٪ موارد یک ژن جهش یافته

در کپی دوم Rb در افرادی که کپی اول آن‌ها تغییر کرده است، بالاست (۲ و ۳). این بیماری تنها کودکان را درگیر می‌کند و تنها افراد کوچک‌تر از ۸ سال هستند که مبتلا به این بیماری می‌شوند. به هر حال، در بزرگسالان، تغییرات ایجاد شده در Rb ممکن است منجر به افزایش تمایل به ایجاد سایر سرطان‌ها شود.

سه سرطان دیگر با عیوب موجود در ژن‌های متوقف کننده تومور، در ارتباط است. این سه سرطان عبارتند از:

- ۱- پولیپ آدنوماتوز فامیلی مربوط به روده بزرگ (FPC): که از تغییر در هر دو کپی ژن APC ایجاد می‌شود.
- ۲- سرطان پستان ارثی که از تغییر در هر دو کپی ژن BRCA2 اتفاق می‌افتد.
- ۳- سرطان پستان و تخمدان ارثی از تغییر در هر دو کپی ژن BRCA1 ایجاد می‌شود.

در حالی که این مثال‌ها بیان کننده این است که وراثت فقط به عنوان یک فاکتور در ایجاد سرطان مهم است، ولی اکثر سرطان‌ها هیچ نشانه‌ای از عامل اولیه وراثت ندارند. سرطان‌هایی که با ژن‌های متوقف کننده تومور درگیر هستند، اغلب ارثی هستند (۴) زیرا یکی از والدین ممکن است یک تغییر در یکی از ژن‌های سلول مولد داشته باشند و این مسئله در فرزند آن‌ها نیز وجود داشته باشد. این مسئله ممکن است موجب افزایش فراوانی نقص در هر دو ژن شود و بدین صورت تغییر در هر دو کپی از ژن متوقف کننده تومور می‌تواند در سلول سوماتیک ایجاد شود، لذا، این سرطان‌ها، همیشه سرطان‌هایی ارثی نیستند.

این پروتئین در فازهای G0 و G1 در حالت غیرفسفریله است و Rb غیر فسفریله به فاکتور نسخه برداری E2F متصل شده و فعالیت آن را متوقف می‌کند. با فسفریله شدن Rb به وسیله G1 و G1/S-Cdks، پروتئین Rb تغییر کنفورماسیون داده و E2F آزاد می‌شود. Rb غیر فسفریله شکل فعال Rb است و باعث مهار و متوقف شدن E2F می‌شود. شکل فسفریله Rb شکل غیر فعال آن است که عمل E2F را متوقف نمی‌کند (۴ و ۵).

برای ایجاد رتینوبلاستوما نیاز به جهش در هر دو آلل ژن Rb می‌باشد که در دو حالت دیده می‌شود:

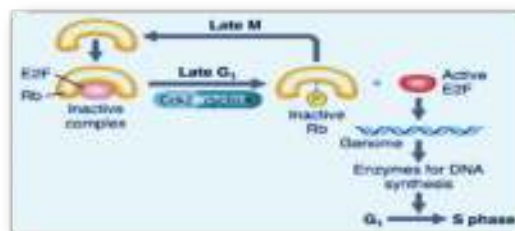
حالت شایع که در حدود ۴۰٪ موارد یک ژن جهش یافته

**Rb می‌باشد که در دو حالت دیده می‌شود:**

- ۱- حالت شایع که در حدود ۴۰٪ موارد یک ژن جهش یافته به ارث رسیده و ژن دیگر دچار جهش پیکری می‌شود (۸).
  - ۲- حالت تک گیر که در حدود ۶۰٪ ژن‌های سالم به ارث رسیده سالم بوده و هر دو آلل یک سلول دچار جهش می‌گردند (۷ و ۸).
- پروتئین p53 به عنوان یک فاکتور رونویسی بیان پروتئین P21 را تحریک می‌کند و پروتئین P21 باعث مهار G1 و G1/S-Cdks و در نتیجه مهار فسفریلاسیون Rb می‌شود. Rb غیر فسفریله به E2F متصل شده و از ورود سلول به فاز S جلوگیری می‌کند (۹).

### □ عملکرد ژن Rb

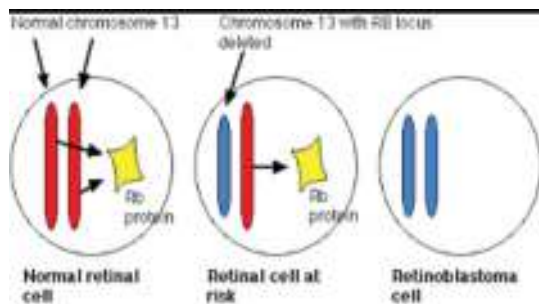
Rb1 یک تنظیم کننده منفی چرخه سلول است. تنظیم سلول، چرخه‌ای بوده و عمدتاً توسط ترکیب E2F انجام شده و بدین وسیله مانع ادامه یافتن چرخه سلول‌ها از طریق چک پوینت G1-S شده است و در نهایت چرخه سلول متوقف شده است. Rb1 به عنوان عامل مهم تنظیم کننده تکثیر و تمایز سلول در نظر گرفته شده است. تنظیم کننده مهم Rb1 در تقسیم سلولی به عنوان یک سرکوبگر تومور عمل کرده و به عنوان یک سرکوبگر نسخه برداری ژن‌های هدف E2F1 نیز عملکرد داشته است. شکل فعال و فسفوریلات شده Rb1 با E2F1 تعامل داشته و فعالیت نسخه برداری آن را سرکوب و عامل توقف چرخه سلول است (۹ و ۱۰). رتینوبلاستوما ارثی یک سندرم پیش زمینه سرطان است و فردی که حامل جهش ژن Rb1 است، دارای ۹۰٪ خطر بالاتر ابتلا به رتینوبلاستوما است، اما افزایش احتمال ابتلا به انواع دیگر سرطان نیز وجود دارد (۹).



تصویر شماره ۱: عملکرد ژن Rb

### □ جهش ژن Rb

جهش در ژن Rb که یک بازدارنده تومور است بر روی 13q محصول این ژن یک پروتئین 4.7 kb به نام P110 است که یک پروتئین هسته‌ای می‌باشد و در تنظیم چرخه سلولی ایفای نقش می‌کند. نقش این پروتئین اتصال به E2F-1 می‌باشد. با از کار افتادن P110 سلول از قید رشد طبیعی رها شده و شروع به رشد بدون کنترل می‌کند. سرطان شبکیه چشم به ۲ صورت می‌تواند (۱۰ و ۱۱) رخ دهد. مشخص شده که پروتئین Rb با آنتی ژن T (مربوط به ویروس SV40) و پروتئین E7 در ویروس پاپیلوما برهم کنش داده و غیر فعال می‌شود، بنابراین سلول از بند مهار رها می‌شود.



تصویر شماره ۲: جهش ژن رتینوبلاستوما

### □ گزارش جهش جدید در ژن Rb1 و تأثیر آن روی پیرایش mRNA

طیف وسیعی از جهش‌ها تاکنون در سراسر ژن RB1 گزارش شده که بسیاری از این جهش‌های نقطه‌ای وضعیت پیرایش را تغییر می‌دهند. مطالعه آنالیز جهش روی بیماری با فرم تک گیر رتینوبلاستوما با استفاده از تعیین توالی نواحی کد کننده و MLPA انجام گرفت و در ادامه با روش RT-PCR وضعیت پیرایش ژن مورد بررسی قرار گرفت و در نتیجه بررسی‌ها یک جهش هم معنی نزدیک انتهای آگزون ۱۲ مشاهده شد (۱۲)، در واقع یک تغییر نوکلئوتیدی C به T در وضعیت هتروزیگوت وجود داشت که باعث تغییر آمینو اسیدی در پروتئین نمی‌شود. در طی این تغییر کدون TCC به TCT تبدیل شده که هر دوی این کدون‌ها اسید آمینه سرین را کد می‌کنند.



## □ تأیید پاتوزن بودن جهش

با توجه به این که محل وقوع جهش نزدیک اگزون ۱۲ قرار دارد و در این ناحیه تنها ۹ جفت باز بین محل وقوع و نقطه شروع اینترون ۱۲ فاصله وجود دارد این احتمال داده شد که جهش مذکور سبب اختلال در پیرایش mRNA شود. مطالعات بیوانفورماتیکی نشان داد که توالی ATTCCTA (C نشان دهنده محل وقوع جهش است) یک جایگاه اتصالی برای پروتئین افزایش پیرایش SC35 است. مطالعاتی که قبلاً در مورد این پروتئین انجام گرفت نشان داده که نتیجه جهش از کار افتادن فرآیند پیرایش در دو طرف اگزون محل جهش است که بر اثر آن اگزون جهش یافته نمی تواند پیرایش شده و حذف شود (۱۲ و ۱۳).

برای تأیید این فرضیه دو پرایمر رفت و برگشتی در دو طرف اگزون ۱۲ (در محل اگزون های ۱۱ و ۱۴) طراحی شد و مطالعه cDNA فرد بیمار نشان دهنده حذف اگزون ۱۲ می باشد. بر این اساس تغییر نوکلئوتیدی با قطعیت پاتوزن است.



تصویر شماره ۳: محصولات RT-PCR، تصویر

شمانیک و کروماتوگرافی تعیین توالی برای بررسی

وضعیت پیرایش mRNA فرد بیمار و افراد سالم

## □ اختلال در فرآیند پیرایش

حذف شدن صحیح و به موقع اینترون ها از پیش ساز mRNA برای بیان یک ژن بسیار ضروری است. در بسیاری موارد اطلاعات و توالی های کافی در نقاط حساس پیرایشی مثل گیرنده و دهنده پیرایش وجود ندارد که محل دقیق اگزون ها و اینترون ها را مشخص کند، در این موارد عناصر cis-acting که به دو صورت افزایش پیرایش (ESE) و خاموش کننده پیرایش (ESS) به کمک فرآیند پیرایش می شتابند (۱۱). تعداد زیادی از جهش های بیماری زای انسان مربوط به فرآیند پیرایش است که برخی به صورت مستقیم اتفاق می افتند و برخی تغییر در

نزدیکی نقاط پیرایش ایجاد می شوند که منجر به ایجاد یک جایگاه پیرایش پنهان (cryptic) می شود و به این ترتیب برخی جهش ها نیز عناصر کمکی پیرایش را تغییر می دهند (۱۰).

## □ نتیجه گیری

پیشگیری برای خانواده هایی که رتینوبلاستوما موروثی دارند، در خانواده هایی که نوعی از رتینوبلاستوما را به ارث برده اند، پیشگیری غیر ممکن نیست. با این حال، تست های ژنتیک خانواده ها را قادر می سازد تا بدانند کدامیک از فرزندان شان در معرض خطر بیشتری برای رتینوبلاستوما بوده و لذا آزمایش های لازم را در سنین پایین تر انجام دهند، زمانی که تومور هنوز کوچک بوده و شانس درمان و حفظ بینایی همچنان وجود دارد.

اگر پزشک تأیید کند که رتینوبلاستوما کودک به دلیل جهش ژنتیکی و موروثی بوده است، خانواده جهت مشاوره ژنتیک ارجاع داده خواهند شد.

## □ تست های ژنتیک برای تعیین این موارد انجام می گیرد

- کودک دارای رتینوبلاستوما در معرض خطر سایر سرطان ها نیز می باشد یا خیر؟
  - سایر فرزندان در معرض خطر رتینوبلاستوما و سرطان های مرتبط هستند یا خیر؟ اگر این چنین باشد معاینات چشمی در سنین پایین تری انجام می شود.
  - فرد و یا همسرش احتمال انتقال این جهش ژنتیکی را به نسل بعد دارد یا خیر؟
- در اکثر موارد، علت جهش های ژنتیکی که منجر به رتینوبلاستوما می شود، مشخص نیست. با این حال، کودکان ممکن است جهش ژنتیکی را از والدین خود به ارث برده باشند.

## □ درمان

اولین اولویت در درمان این بیماری حفظ جان کودک است، سپس حفظ بینایی و در آخر کاهش تاثیرات جانبی درمان. درمان های مختلفی برای این سرطان وجود دارد، مثل شیمی درمانی، کرایوتراپی، لیزر تراپی، فتوکواگولاسیون، پلاک تراپی، رادیوتراپی و تخلیه کامل چشم.

## References:

- 1- Baud O, Cormier-Daire V, Lyonnet S, Desjardins L, Turleau C, Doz F. Dysmorphic phenotype and neurological impairment in 22 retinoblastoma patients with constitutional cytogenetic 13q deletion. *Clin Genet*. 1999 Jun;55(6):478-82.
- 2- Corson TW, Gallie BL. One hit, two hits, three hits, more? Genomic changes in the development of retinoblastoma. *Genes Chromosomes Cancer*. 2007 Jul;46(7):617-34. Review.
- 3- De Falco G, Giordano A. pRb2/p130: a new candidate for retinoblastoma tumor formation. *Oncogene*. 2006 Aug 28;25(38):5333-40. Review.
- 4- Ewens KG, Bhatti TR, Moran KA, Richards-Yutz J, Shields CL, Eagle RC, Ganguly A. Phosphorylation of pRb: mechanism for RB pathway inactivation in MYCN-amplified retinoblastoma. *Cancer Med*. 2017 Mar;6(3):619-630. doi: 10.1002/cam4.1010. Epub 2017 Feb 17.
- 5- Lohmann DR, Gallie BL. Retinoblastoma. 2000 Jul 18 [updated 2018 Nov 21]. In: Adam MP, Ardinger HH, Pagon RA, Wallace SE, Bean LJH, Stephens K, Amemiya A, editors. *GeneReviews® [Internet]*. Seattle (WA): University of Washington, Seattle; 1993-2020. Available from <http://www.ncbi.nlm.nih.gov/books/NBK1452/>
- 6- Madhavan J, Ganesh A, Kumaramanickavel G. Retinoblastoma: from disease to discovery. *Ophthalmic Res*. 2008;40(5):221-6. doi: 10.1159/000128578. Epub 2008 Apr 29. Review.
- 7- Mallipatna A, Ma rino M, Singh AD. Genetics of Retinoblastoma. *Asia Pac J Ophthalmol (Phila)*. 2016 Jul-Aug;5(4):260-4. doi: 10.1097/APO.0000000000000219. Review.
- 8- Poulaki V, Mukai S. Retinoblastoma: genetics and pathology. *Int Ophthalmol Clin*. 2009 Winter;49(1):155-64. doi: 10.1097/IIO.0b013e3181924bc2. Review.
- 9- Rushlow DE, Mol BM, Kennett JY, Yee S, Pajovic S, Thériault BL, Prigoda-Lee NL, Spencer C, Dimaras H, Corson TW, Pang R, Massey C, Godbout R, Jiang Z, Zacksenhaus E, Paton K, Moll AC, Houdayer C, Raizis A, Halliday W, Lam WL, Boutros PC, Lohmann D, Dorsman JC, Gallie BL. Characterisation of retinoblastomas without RB1 mutations: genomic, gene expression, and clinical studies. *Lancet Oncol*. 2013 Apr;14(4):327-34. doi: 10.1016/S1470-2045(13)70045-7. Epub 2013 Mar 13.
- 10- Scheffler AC, Abramson DH. Retinoblastoma: what is new in 2007-2008. *Curr Opin Ophthalmol*. 2008 Nov;19(6):526-34. doi: 10.1097/ICU.0b013e328312975b. Review.
- 11- Sippel KC, Fraioli RE, Smith GD, Schalkoff ME, Sutherland J, Gallie BL, Dryja TP. Frequency of somatic and germ-line mosaicism in retinoblastoma: implications for genetic counseling. *Am J Hum Genet*. 1998 Mar;62(3):610-9.
- 12- Soliman SE, Dimaras H, Khetan V, Gardiner JA, Chan HS, Héon E, Gallie BL. Prenatal versus Postnatal Screening for Familial Retinoblastoma. *Ophthalmology*. 2016 Dec;123(12):2610-2617. doi: 10.1016/j.ophtha.2016.08.027. Epub 2016 Oct 3.
- 13- Soliman SE, Racher H, Zhang C, MacDonald H, Gallie BL. Genetics and Molecular Diagnostics in Retinoblastoma--An Update. *Asia Pac J Ophthalmol (Phila)*. 2017 Mar-Apr;6(2):197-207. doi: 10.22608/APO.201711. Review.

